



Sélection assistée par marqueurs (SAM)

Optimisez votre processus de création variétale

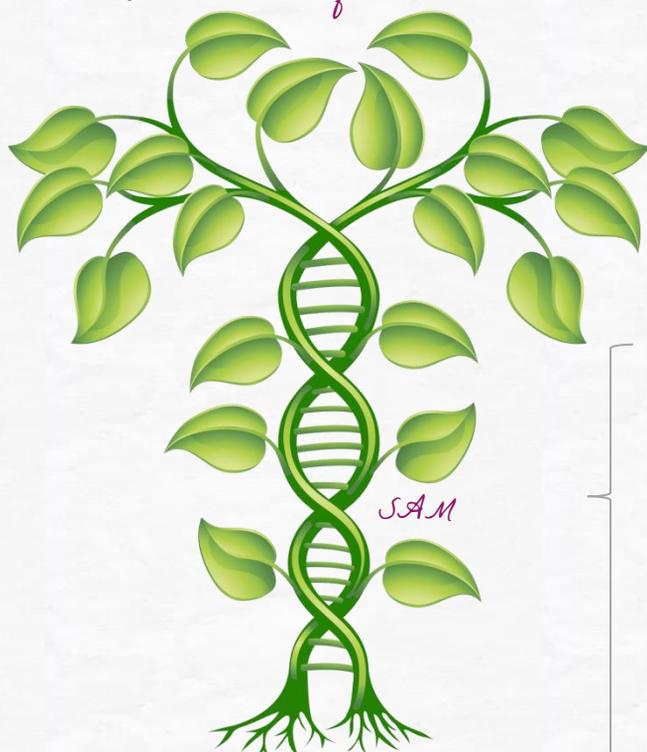


Vous souhaitez optimiser et accélérer vos programmes de création variétale ?

Notre équipe de biologie moléculaire développe des outils pour vous aider à :

- ◆ étudier la diversité de vos ressources génétiques et optimiser le choix des meilleurs géniteurs à croiser ;
- ◆ rechercher des marqueurs liés à des régions génomiques contrôlant des caractères d'intérêts ou du fonds génétique ;
- ◆ cribler vos plantes en cours de sélection, à un stade de développement très précoce.

*Etude de la diversité génétique
Recherche de marqueurs d'intérêt*



Nouvelle variété

Gestion de collection de ressources génétiques
(évaluation de leur diversité génétique)

Choix de géniteurs à croiser

Recherche de gènes ou QTL d'intérêt et leurs marqueurs associés (cartes génétiques)

A chaque cycle de sélection : criblage à un stade précoce de plantes en cours de sélection avec des marqueurs du fond génétique et/ou des marqueurs liés à des locis d'intérêt (gènes majeurs ou QTL)

Accélération du retour au fonds génétique récurrent



Accélération de l'introggression de caractères d'intérêt