



Le végétal sur mesure



## Sélection assistée par marqueurs (SAM)

### Optimisez votre processus de création variétale

Vegenov développe des outils de biologie moléculaire pour vous aider à :

**Accélérer le retour au fond génétique récurrent**

**Accélérer l'introgression de caractères d'intérêt**

- ❖ **Recherche de marqueurs moléculaires** du fond génétique ou liés à des régions génomiques contrôlant des caractères d'intérêt ;
- ❖ **Etude de la diversité de vos ressources génétiques** permettant d'optimiser le choix des meilleurs géniteurs à croiser ;
- ❖ **Criblage de vos descendances en cours de sélection**, à un stade de développement très précoce, avec des marqueurs du fond génétique et/ou des marqueurs liés à des loci d'intérêt (gènes majeurs ou QTL).

Liste des espèces pour lesquelles nous proposons des marqueurs en routine :



Alliums  
CMS,  
Mildiou



Piment/Poivron  
TMV, Xcv, TSWV



Melon  
*Aphis gossypii*



Asperge  
Déterminisme sexuel  
(super-mâle)



Blé  
Cécidomyie, Piétin verse,  
Nanisme, Mosaïque du  
blé (SBMV), alternativité



Tomate  
Fol 0-1, RKN, TSWV,  
ToMV, Verticillium



Pois potager  
PEMV



Prunus  
Auto-fertilité, Sharka,  
Puceron vert, Oïdium, Xap



Colza  
Rfo



Riz  
Résistance  
aux herbicides



**Nous pouvons également développer  
de nouveaux marqueurs pour répondre à vos besoins**

*Nos prestations de R&D sont éligibles au CIR*



Cécile Madre – Chargée de projets en Amélioration des Plantes  
[madre@vegenov.com](mailto:madre@vegenov.com) - Tel : +33 (0) 2 98 29 06 44  
Vegenov – 1040 Pen ar Prat • F-29250 St Pol de Léon • France